

# RNASARC

Programme de screening moléculaire des sarcomes des tissus mous à génomique complexe visant à détecter les réarrangements de gènes NTRK1/2/3, ROS1 ou ALK.

Centre Léon Bérard

Dr Armelle Dufresne, [armelle.dufresne@lyon.unicancer.fr](mailto:armelle.dufresne@lyon.unicancer.fr)

## Centres participants

10 centres anti-cancéreux français membres du Groupe Sarcome Français (GSF-GETO)

- Centre Oscar Lambret
- Centre Léon Bérard
- Centre Eugène Marquis
- Instit.Cancérologie Lorraine
- Instit.Cancérologie Loire
- CHU Limoges
- Centre Jean Perrin
- Gustave Roussy
- Centre Antoine Lacassagne
- Centre Georges-François Leclerc

## Molécules, schéma de traitement

**COLLECTION OF TUMOR SAMPLE**  
(Bloc archivé FFPE ou Biopsie De Novo)

**CENTRALISED PATHOLOGICAL REVIEW**

**NTRK/ROS/ALK MOLECULAR SCREENING**

**STEP 1: IHC**

**POSITIVE IHC RESULTS**

**STEP 2 : RNASEQ**

**Indication** : STM à génomique complexe

### Principaux critères d'inclusion

- $\geq 12$  ans
- Diagnostic de STM de stade avancé/métastatique à génomique complexe
- Disponibilité bloc FFPE pour IHC et RNASeq

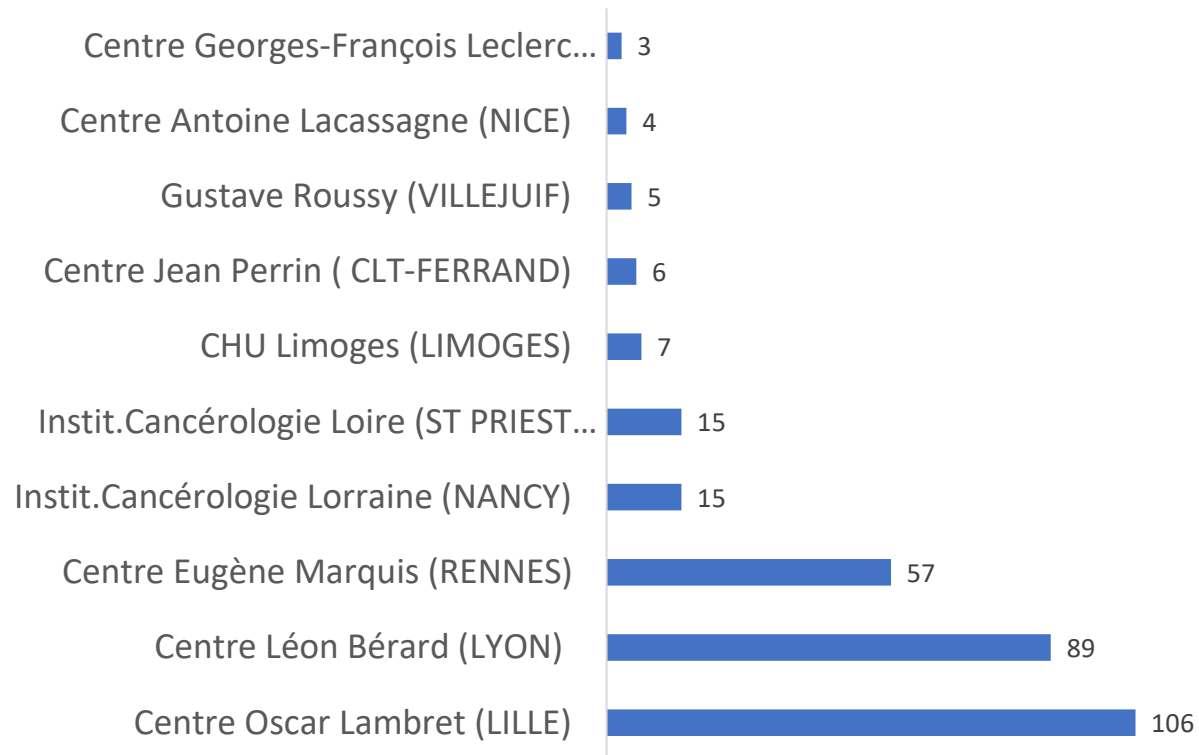
### Endpoint et stat succinctes

- **Critère principal**  
Incidence des réarrangements des gènes *NTRK1/2/3*, *ROS1* et *ALK*
- **Critères secondaires**
- Répartition des pts avec réarrangements *NTRK1/2/3*, *ROS1* ou *ALK* au sein des différents sous-types de STM à génomique complexe.
- Caractéristiques, prise en charge thérapeutique et évolution clinique des patients avec réarrangements des gènes *NTRK1/2/3*, *ROS1* ou *ALK*
- Programme ancillaire : WES/RNASeq
- Effectif attendu : 750 pts

# Etat d'avancement

## Etat du recrutement

- 307 patients inclus / 750



## Problème / Amendement à venir

- Amendement pour prolongation des inclusions (48 à 72 mois)

